

098954 * 062002

1	M - - A I H K A L V M C L G L E - L F L F - - - P G A W A Q G H V P P G C S Q G	SEQ ID 5
1	M F V A S E R K M R A H Q V L T F L L L F V I T S V A S E N A S T S R G G C G L D	SEQ ID 5
1	M F V A S E R K M R A H Q V L T F L L L F V I T S V A S E N A S T S R G G C G L D	SEQ ID 5
35	L N P L Y Y N L C D R S G A W G I V I L E A V A G A G I V T T F V L T I I L V A S	SEQ ID 5
41	L L P Q Y V S L C D I D A T W G I V V E A V A G A G A L I T T L L M L I I L V R	SEQ ID 5
75	L P F V Q D T K K R S L L G T Q V F F L L G T L G L F C L V F A C V V K P D F S	SEQ ID 5
81	L P E I K E E K K S P V G L H F L F L L G L F G L T F A F I I Q E D E T	SEQ ID 5
115	T C A S R R F L E G V L F A I C F S C L A A H V F A L N F L A R K N H G P R G W	SEQ ID 5
121	T C S V R R F L W G V L F A L C F S C L L S Q A W R V R R L V R H G T G P A G W	SEQ ID 5
155	V I F T V A L L T L V E V I N T E W L I I T L V R G S G E G G P Q G N S S A	SEQ ID 5
161	Q L V G L A L C L M L V Q V I I A V E W L V L T V L R D T - - - - - - - - -	SEQ ID 5
195	G W A V A S P C A I A N M D F V M A L I Y V M L L G A F L G A W P A L C G R	SEQ ID 5
196	--- - R P A C A Y E P M D F V M A L I Y D M V L L V V T L G L A L F T L C G K	SEQ ID 5

FIGURE 1A

Y08290 " 98956860

235 Y K R W R K H G V F V L L T A T S V A I W V V W I V N Y T Y G N - K Q H N S P SEQ ID 1
226 F K R W K L N G A E L L I T A F L S V L I W R A W M T M Y L F G N V K L Q Q G D SEQ ID 5
274 T W D D P T L A I A L A A N A W A F V L F Y V I P E V S - - - Q V T K S S P E SEQ ID 1
266 A W N D P T L A I T L A A S G M V F V I F H A I P E I H C T L L P A I Q E N T P SEQ ID 5
310 Q S Y Q G D M Y P T R G V G Y E T I L K E Q K G Q S M F V E N K A F S M D E P V SEQ ID 1
306 N Y F D T S Q P R M R E T A F E E D V Q L P R A - - - Y M E N K A F S M D E H N SEQ ID 5
350 A A K R P V S P Y S G Y N G Q O L L T S V Y Q P T E M A L M H K V P S E G A Y D I SEQ ID 1
343 A A L R T - - - A G F P N G S L G K - - R P S G S - - L G K R P S - A P F R S SEQ ID 5
390 I L P R A T A N S Q V M G S A N S T L R A E D M Y S A Q S H O A T P P K D G K SEQ ID 1
374 N V Y Q P T E M A V V L N G G T I P - - - - - - - - - - - - - - - - T A P P D S H T G R SEQ ID 5
430 N S Q V F R N P Y V W D SEQ ID 1
401 H - - - - - - - - - - - - - - - - L W SEQ ID 5

FIGURE 1B

Y08290* 52356850

1 - - - - - **DLEASLLPTGPNASNTSDGPDNLTSAGSPPRGTS** SEQ ID 2
1 - - - - - **SCTSWFN-----GTGLVEEL** - - PACQDLQLG SEQ ID 3
1 - - - - - **MFRPLVNLSHIYFKKFOQYCCGYPHVVR-----SCKEDNT** D G SEQ ID 4
26 **I SYININIMPSVFGTICLLGIIGNS-----TVI FAVVKKSKLHW** SEQ ID 2
26 **I SLLSLLGLLV-----GVPVGLCYNAALLVLANLHS-KA** SEQ ID 3
35 **I SLENLLASIIQVRVFPWWVSSAVTCFGNIEFVICMRPYIIRS** SEQ ID 4
74 **CNNVPDIFILINLSVVD-----LLFLLG-----MPFMITHQLMG** SEQ ID 2
74 **SMTMPDVFYEVNMAYA-----GLVLSALAPVHL-----LGPPSSR** SEQ ID 3
58 **E[NKLYAMSIISLCCADCLMGIVLFEVIGGFDLKFRGEYNKH** SEQ ID 4
75 **N G V W H F G - E T M C T L I T A M D A N S Q F T S T Y I L T A M A I D R Y L A** SEQ ID 2
92 **W A L W S V G G E V H V A L Q I P F N V - S S L V A M Y S T A L L S L D H Y I E** SEQ ID 3
115 **A Q L W - M E - S T H C Q L V G S L A I L S T E V S V L L T F L T L E K Y I C** SEQ ID 4
106 **T V H P I S S T K F R K P S V A T L V I C - L L W A L S F I - S I T P V W L Y A** SEQ ID 2
145 **131 R A L P - - R T Y M A S V Y N T R H V C G F V W G G A L L T S F S S L L F Y I** SEQ ID 3
153 **T V Y P F R C V R P G K C R T I E V L I - L I W I T G F I V A F I P L S N K E** SEQ ID 4
183 **R L I P F P G G A V G C G I R L P N P D T D L Y W F T L Y - Q F F L A F A L P** SEQ ID 2
183 **C - S H V S T R A L E C A K M Q N A E A A D - - - - A T L V F I G Y V V P** SEQ ID 3
168 **F F K N Y Y A P N G V C - F P L H S E D T E S I G A Q I Y S V A I F G I N L A** SEQ ID 4
191 **F F K N Y Y A P N G V C - F P L H S E D T E S I G A Q I Y S V A I F G I N L A**

FIGURE 2A

Y08290* 98956860

221 - F V V I T A A Y V R I L Q R M T S S V A P T S Q R S I - R L R T K R V T R T A SEQ ID 2
200 A L A T L - - Y A L V I L I S S R V R R E D T P L D R D T G R L E P S A H R L L V SEQ ID 3
230 A F I I I V F S Y G S M F Y S V H Q S A I T A T E - - I - R N Q V K K E M I L A SEQ ID 4

259 I A I C L V F F - - V C W A P Y Y V - - L Q L T Q L S I S R P T P T F - - - SEQ ID 2
237 A T V I C T Q F F - - G L - W T P H Y L I L L G H T G I T S R G K P V D A H Y L G SEQ ID 3
267 K R F F F I V E T D A L C W I P I F V V K F L S L I L Q V E I L P G T I T S W - - SEQ ID 4

290 V Y L Y N A A I S - - L G Y A N S C L N P F V Y I V L C E T F - - - - - SEQ ID 2
273 L I H F V K D E S K I L L A F S S S F V T P L L Y R Y M N Q S F P S K L Q R - - - SEQ ID 3
304 V Y I F I L P I - - - - - N S A L N P I L Y T L T R P F K E M I H R F W Y SEQ ID 4

319 - - R K R L V L S V K P A Q - - - - - G Q L R A V S N A Q A A - - - - - SEQ ID 2
310 - L M K - - - SEQ ID 3
337 N Y R Q R K S M D S K G Q K T Y A P S F I W V E M W P L Q E M P P E L M K P D L SEQ ID 4

344 - - - - - D E E R T - - E S K G T SEQ ID 2
313 - K L P C G D R H C S P D H M G V Q Q V L A SEQ ID 3
377 F T Y P C E M S L I S Q S T R - - L N S Y S SEQ ID 4

FIGURE 2B